

Lundi 09 10 2023 Salle micro 101 UTES

9h – 12h Cubo (jorge.cubo_garcia@sorbonne-universite.fr)

Introduction. Pourquoi utiliser des PCM ?

Assemblage d'un arbre phylogénétique dans Mesquite : topologie, datation des nœuds utilisant Timetree et Paleobiology database, exportation.

Construction d'une matrice variance covariance.

Quantification du signal phylogénétique.

Lambda de Pagel,

K de Bloomberg

Régression linéaire phylogénétique (PGLS)

Mardi 10 10 2023 Distanciel

9h – 12h Desdevises (yves.desdevises@obs-banyuls.fr)

Phylogenetically structured environmental variation. Variation partitioning among three sets of explanatory variables

<https://zoom.us/j/95316862636?pwd=MjlQM1BJUmpHcHJHWDVFQUtpUk1qUT09>

ID de réunion : 953 1686 2636

Code secret : 619206

14h – 15h Didier (gilles.didier@umontpellier.fr)

Modèles de naissance et de mort: datation de l'Arbre du Vivant, radiations évolutives et crises biologiques. Aspects théoriques.

<https://umontpellier-fr.zoom.us/j/96750783709?pwd=UzJ0Q29TVjVhN2RWKzRrc1BJUIB2dz09>

Meeting ID: 967 5078 3709

Passcode: 310023

Mercredi 11 10 2023 Salle micro 101 UTES

09h – 12h30 Cubo

ANOVA phylogénétique

ANCOVA phylogénétique

Régression logistique phylogénétique (PLR)

Inférence par « phylogenetic eigenvector maps » (PEM)

13h30 – 15h Cubo

Projet

Formation des groupes

Formalisation d'une question scientifique et des hypothèses explicatives

Recherche bibliographique de méthodes pertinentes pour tester ces hyp.

Construction d'un logigramme dans l'objectif illustrer la séquence d'analyses statistiques à effectuer pour tester les hypothèses

15h – 16h Laurin (michel.laurin@mnhn.fr)

Modèles de naissance et de mort: datation de l'Arbre du Vivant, radiations évolutives et crises biologiques. Études empiriques.

16h – 17h Forêt (tomforet@gmail.com)

Présentation d'un cas d'étude : comment tester l'effet des facteurs intrinsèques

(paléobiologiques) et extrinsèques (paléoclimatiques) sur l'évolution des Tethysuchia

Jeudi 12 10 2023 Salle micro 101 UTES

9h – 12h30 Cubo

Modèles d'évolution

Brownian motion (BM),

Ornstein-Uhlenbeck (OU),

Early Burst (EB),

Accelerating versus decelerating rates of character evolution (ACDC)

Pattern & process

Notion de sur-ajustement de modèle. Paramètre AIC.

Inférence d'états de caractère ancestraux

14h – 17h Bardin (jeremie.bardin@sorbonne-universite.fr)

Phylogenetic Flexible Discriminant Analysis.

Les PCMs et la morphométrie géométrique.

Phylogenetic generalized linear mixed models.

Inférence Bayésienne

*Projet. Point sur la construction de logigrammes

Vendredi 13 10 2023 Salle Fourcade 46-56 5ème

9h30-12h. Cubo

Projet

13h30 – 16h30 Toute l'équipe pédagogique.

Présentation orale des projets.

